

## V. PENUTUP

### 5.1 Kesimpulan

Hasil analisis filogenetik berdasarkan gen *cytochrome b* (789 bp) menunjukkan bahwa hubungan kekerabatan *Argusianus argus* di Sumatera Barat dan *Argusianus argus* lainnya bersifat monofiletik. Berdasarkan nilai *sequence divergence* menggunakan gen *cyt b* maka diusulkan bahwa subspecies *A. argus grayi* di Malaysia (Borneo) dan *A. argus argus* di Sumatera sebagai spesies yang berbeda.

### 5.2 Saran

Berdasarkan hasil penelitian yang telah didapatkan, maka disarankan melakukan pembuatan DNA *barcode* untuk *A. argus* Sumatera dan selanjutnya didaftarkan ke BOLD *system* sebagai bukti biodiversitas Sumatera, serta membandingkan data ekologi seperti habitat, tingkah laku dan vokalisasi kuau raja yang ada di Sumatera dan kuau raja yang ada di Malaysia (Borneo) untuk melengkapi informasi yang didapatkan pada penelitian ini.

