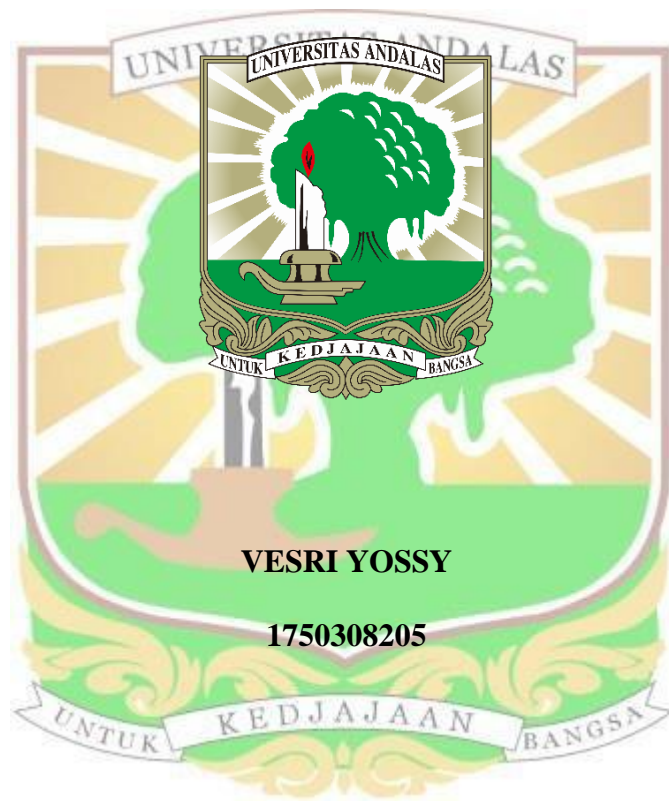


**HUBUNGAN GENOTIPE *HUMAN PAPILLOMAVIRUS* DENGAN
UKURAN LESI PADA PASIEN KONDILOMA AKUMINATA
ANOGENITAL**

TESIS



Pembimbing:

- 1. Dr. dr. Qaira Anum, Sp.KK(K), FINSDV, FAADV**
- 2. dr. Gardenia Akhyar, Sp.KK(K), FINSDV**

**PROGRAM PENDIDIKAN DOKTER SPESIALIS
DERMATOLOGI DAN VENEREOLOGI FAKULTAS KEDOKTERAN
UNIVERSITAS ANDALAS/RSUP DR. M. DJAMIL PADANG**

2022

HUBUNGAN GENOTIPE *HUMAN PAPILLOMAVIRUS* DENGAN UKURAN LESI PADA PASIEN KONDILOMA AKUMINATA ANOGENITAL

Vesri Yossy

Program Studi Dermatologi dan Venereologi
Fakultas Kedokteran Universitas Andalas/RS. Dr. M. Djamil, Padang
Email: vesriyossy@gmail.com

Abstrak

Latar belakang: Kondiloma akuminata anogenital (KAA) merupakan infeksi menular seksual yang disebabkan oleh *Human papillomavirus* (HPV) berupa fibroepitelioma pada kulit dan mukosa anogenital. Banyak faktor-faktor yang dapat memengaruhi ukuran lesi pada KAA seperti lamanya gejala, riwayat pengobatan sebelumnya, status imunitas seseorang dan genotipe HPV. Saat ini masih sedikit penelitian mengenai genotipe HPV pada KAA di Indonesia dan belum ada yang meneliti mengenai hubungan genotipe dengan ukuran lesi KAA.

Tujuan: Untuk mengetahui adanya hubungan genotipe HPV dengan ukuran lesi kondiloma akuminata anogenital.

Subjek dan metode: Penelitian ini dilakukan di Poliklinik Kulit dan Kelamin Divisi Infeksi Menular Seksual RSUP Dr. M. Djamil Padang selama periode April-Oktober 2021. Penelitian ini merupakan penelitian observasional dengan desain *cross sectional study*. Pengambilan sampel dilakukan secara *consecutive sampling* dengan kriteria inklusi pasien KAA berusia 17-55 tahun sebanyak 6 subjek penelitian. Ukuran lesi KAA diukur berdasarkan volume lesi dan penentuan genotipe HPV dengan pemeriksaan *polymerase chain reaction* (PCR).

Hasil: Pada penelitian ini didapatkan 6 pasien KAA. Kelompok usia yang terbanyak yaitu pada kelompok usia 17-25 tahun sebanyak 50%. Genotipe HPV yang didapatkan adanya 2 kelompok multipel genotipe HPV yaitu genotipe 11, 16 dan 6,11,16 dengan rerata ukuran lesi KAA yaitu 0,68 cm³. Didapatkan bahwa hubungan antara genotipe HPV dengan ukuran lesi pasien KAA tidak bermakna secara statistik dengan menggunakan uji T dengan p value= 0,208 (p>0,05).

Simpulan: Tidak terdapat hubungan genotipe HPV dengan ukuran lesi kondiloma akuminata anogenital pada pasien.

Kata kunci: *genotipe HPV, kondiloma akuminata anogenital, ukuran lesi.*

THE RELATION BETWEEN GENOTYPE *HUMAN PAPILLOMAVIRUS* AND SIZE OF ANOGENITAL CONDYLOMA ACUMINATA'S LESION

Vesri Yossy

Dermatology and Venereology Study Program
Faculty of Medicine Andalas University/Dr. M. Djamil Hospital, Padang
Email: vesriyossy@gmail.com

Abstract

Background: Anogenital condyloma acuminata is a sexually transmitted infection caused by the Human papillomavirus (HPV) in the form of fibroepithelioma of the skin and anogenital mucosa. Many factors can affect the size of the lesion in anogenital condyloma acuminata such as symptoms experienced, previous treatment history, a person's immune status and HPV genotype. Currently, there are very few studies on the genotypes of HPV in anogenital condyloma acuminata in Indonesia and no one has investigated the relationship between genotype and anogenital condyloma acuminata lesion size.

Objective: To determine the relationship between HPV genotype with the size of anogenital condyloma acuminata lesions.

Subject and methods: This research was conducted at the Dermatology and Venereology Polyclinic, Sexually Transmitted Infections Division, RSUP Dr. M. Djamil Padang during the period April-October 2021. This research is an observational study with a cross sectional study design. Sampling was done by consecutive sampling with the inclusion criteria of anogenital condyloma acuminata patients aged 17-55 years as many as 6 research subjects. The size of the anogenital condyloma acuminata lesion was measured based on the volume of the lesion and the determination of the HPV genotype by polymerase chain reaction (PCR) examination.

Results: In this study, 6 patients with anogenital condyloma acuminata were found. The most age group between 17-25 years as much as 50%. The HPV genotypes obtained were 2 groups of multiple HPV genotypes, namely genotypes 11, 16 and 6,11,16 with an average anogenital condyloma acuminata lesion size of 0.68 cm³. The relationship between HPV genotype and lesion size of anogenital condyloma acuminata patients was not statistically significant using the T test with p value = 0.208 (p>0.05).

Conclusion: There was no association between HPV genotype and the size of the anogenital condyloma acuminata lesions in these patients.

Key words: *HPV genotypes, anogenital condyloma acuminata, size of lesion.*