

**IDENTIFIKASI SINGLE NUCLEOTIDE POLYMORPHISM
(SNP) GEN FOLLICLE STIMULATING HORMONE
RECEPTOR (FSHR) EXON 10 BAGIAN AWAL
PADA SAPI PESISIR**

SKRIPSI



**FAKULTAS PETERNAKAN
UNIVERSITAS ANDALAS
PADANG, 2021**

**IDENTIFIKASI SINGLE NUCLEOTIDE POLYMORPHISM
(SNP) GEN FOLLICLE STIMULATING HORMONE
RECEPTOR (FSHR) EXON 10 BAGIAN AWAL
PADA SAPI PESISIR**

SKRIPSI



**Sebagai Salah Satu Syarat untuk Memperoleh Gelar Sarjana
pada Fakultas Peternakan Universitas Andalas**

**FAKULTAS PETERNAKAN
UNIVERSITAS ANDALAS
PADANG, 2021**

IDENTIFIKASI SINGLE NUCLEOTIDE POLYMORPHISM (SNP) GEN FOLLICLE STIMULATING HORMONE RECEPTOR (FSHR) EXON 10 BAGIAN AWAL PADA SAPI PESISIR

NURUL ADILLA PUTRI. J, dibawah bimbingan
Prof. Dr. Ir. Yurnalis, M.Sc dan Dr. Ir. Jaswandi, MS
Program Studi Teknologi Reproduksi Ternak, Jurusan Peternakan
Universitas Andalas, 2021

ABSTRAK

Penelitian ini bertujuan untuk mengetahui keragaman genetik gen follicle stimulating hormone reseptor (FSHR) exon 10 bagian awal pada sapi Pesisir dengan menggunakan metode sekuensing. Penelitian ini menggunakan 70 sampel darah sapi Pesisir. Metode penelitian yang digunakan adalah metode eksplorasi Sampel darah diisolasi dengan menggunakan Genomic DNA Purification Kit (Promega). DNA diamplifikasi menggunakan sepasang primer L :5'-TCC CAT TCT CTA CCC TGT GT-3' dan R : 5'-TTG AGC ACA AGG AGG GAC AT-3' yang menghasilkan fragmen sepanjang 847 bp. Produk amplifikasi disekuensing menggunakan jasa dari 1st Base Singapore. Hasil penelitian menunjukkan bahwa terdapat 5 polymorphisme disebagian intron 9 sampai exon 10 bagian awal yaitu pada posisi -53T→C, +17A→G, +650C→T, +706A→C dan +707 ins→A. Berdasarkan hasil penelitian dapat disimpulkan bahwa keragaman genetik follicle stimulating hormone reseptor (FSHR) exon 10 bagian awal pada sapi Pesisir ditemukan adanya polimorfisme dan hasil frekuensi genotipe dari populasi sapi Pesisir ini tidak dalam keseimbangan Hardy-Weinberg.

Kata Kunci : sapi pesisir, FSHR, PCR, SNP

