

V. KESIMPULAN

5.1 Kesimpulan

Berdasarkan hasil penelitian yang telah dilakukan, dapat disimpulkan bahwa adanya keragaman gen HSP70 sapi Pesisir pada daerah *Coding DNA Sequence* dengan metode sekuensing. Ditemukan 12 titik mutasi pada gen HSP70 berupa *transversion*, *transition* dan *indel*. Titik mutasi pada posisi g.12451 C>T, g.12458 C>T, g.12550 C>T, g.12553 G>A, g.12583 A>G, g.12583 A>C, g.13000 G>C bersifat polimorfik. Nilai heterozigositas pada posisi g.12553 G>A, g.12583 A>G berada dalam keseimbangan Hardy–Weinberg. Pada sapi Pesisir ditemukan 33 pola haplotipe dan diversitas haplotipe tertinggi pada pola 3 yaitu 0,11 dan pola 2 yaitu 0,08 .

5.2 Saran

Berdasarkan kesimpulan dari penelitian ini untuk melanjutkan penelitian dengan mengaitkan hasil analisis genetik dengan profil hematologi pada sapi Pesisir. Hasil asosiasi tersebut dapat menjadi dasar penerapan seleksi berbasis marker untuk meningkatkan kualitas genetik. Selain itu diharapkan untuk memperhatikan kesegaran DNA dan ketelitian pada proses PCR sehingga kualitas sekuensing dapat tervalidasi dengan baik.