

DAFTAR PUSTAKA

- Al-fai, S. A., Migdadi, H. M., Algamdi, S. S., Altaf, M., Ammar, M. H., Al-oheed, R. S., Al-thamra, M. I., El-harty, E. H., & Jakse, J. (2016). Development, characterization and use of genomic SSR markers for assessment of genetic diversity in some Saudi date palm (*Phoenix dactylifera* L.) cultivars. *Electronic Journal of Biotechnology*, 21, 18–25. <https://doi.org/10.1016/j.ejbt.2016.01.006>
- Andayani, N. N., Aqil, M., Efendi, R., Isnaini, M., & Azrai, M. (2025). Standardisasi proses analisis sidik jari DNA jagung hibrida nasional. *Warta Agrostandar*, 1(3), 25–29.
- Anwar, A., Dwipa, I., Hervani, D., & Sari, A. (2024). Hubungan posisi apokol dalam perkecambahan aren (*Arenga pinnata* Merr.) dengan pertumbuhan kecambah dan keragaman genetik. *Jurnal Agroteknologi*, 14(2), 89–96. <https://doi.org/10.24014/ja.v14i2.26686>
- Arraouadi, S., Badri, M., Jaleel, C. A., Djebali, N., Ilahi, H., Huguet, T., & Aouani, M. E. (2009). Analysis of genetic variation in natural populations of *Medicago truncatula* of Southern Tunisian ecological areas, using morphological traits and SSR markers. *Tropical Plant Biol.*, 2009(2), 122–132. <https://doi.org/10.1007/s12042-009-9034-5>
- Artika, I. M. (2023). *Teknik manipulasi gen*. IPB Press.
- Ballo, A., & Nge, S. T. (2020). Analisis keragaman genetik pada tanaman kelor (*Moringa oleifera*) berdasarkan penanda molekuler *Random Amplified Polimorphic DNA* (RAPD). *Jurnal Biotropikal Sains*, 17(1), 35–44.
- Broussard, L., Abadie, C., Lalande, J., Limami, A. M., Lothier, J., & Tcherkez, G. (2023). Phloem sap composition : What have we learnt from metabolomics ? *International Journal of Molecular Sciences*, 24, 16.
- Buchori, A., Firmansah, H., Anika, M., Ratnawati, S., Ulfa, U. T., & Zendrato, Y. (2023). Komparasi metode ekstraksi DNA menggunakan daun padi: Review. *Agriculture and Biological Technology*, 1(1), 40–50. <https://doi.org/10.61761/agiotech.1.1.40-50>
- Bushehri, A. . S.-, Torabi, S., Omid, M., & Ghannadha, M. (2005). Comparison of genetic and morphological distance with heterosis with RAPD markers in hybrids of barley. *International Journal of Agriculture & Biology Biol.* 7, 7(4), 592–595. <http://www.ijab.org>
- Chee, W. W., Jit, T. C., Kien, W. C., Mayes, S., Singh, R., & Chin, S. A. (2015). Development of an Effective SSR-based fingerprinting system for commercial planting materials and breeding. *Journal of Oil Palm Research*, 27(2), 113–127.
- Dani, A. T. R., Wahyuningsih, S., & Rizki, N. A. (2019). Penerapan hierarchical clustering metode agglomerative pada data runtun waktu. *Jambura Journal of*

- Mathematics*, 1(2), 64–78. <https://doi.org/10.34312/jjom.v1i2.2354>
- Diniz-filho, J. A. F., Soares, T. N., Lima, J. S., Dobrovolski, R., Landeiro, V. L., Pires, M., Telles, D. C., Rangel, T. F., & Bini, L. M. (2013). *Mantel test in population genetics*. 36(4), 475–485.
- Direktorat Jendral Perkebunan. (2022). *Statistik perkebunan non unggulan 2021-2023*. Sekretariat Direktorat Jenderal Perkebunan.
- Fadhilah, N., Idami, Z., & Dur, S. (2025). Analisis polimorfik genetik DNA ikan mas koki genus *Carrasius* menggunakan metode RAPD (*Random Amplified Polymorphic DNA*). *Jurnal Biosense*, 8(2), 157–171.
- Fadlillah, S. R. (2024). *Eksplorasi dan karakterisasi morfologi tanaman aren (Arenga pinnata Merr.) di Nagari Silago Kecamatan IX Koto Kabupaten Dharmasraya*. Universitas Andalas.
- Faizah, R., Wening, S., Rahmadi, H. Y., & Purba, A. R. (2016). Keragaman genetik populasi *E. oleifera* dan populasi *E. guineensis* pada koleksi plasma nutfah PPKS. *J. Pen. Kelapa Sawit*, 24(1), 13–22.
- Fauzi, R. Z. (2020). *Identifikasi keragaman karakteristik Simple Sequence Repeat (SSR) pada Expressed Sequence Tags(EST) Curcuma longa untuk prastudi keragaman genetik temu ireng (Curcuma aeruginosa)*. Universitas Islam Negeri Syarif Hidayatullah.
- Handayani, T. (2022). Pemencaran biji jenis-jenis tanaman suku *Annonaceae* di Kebun Raya Bogor, Indonesia. *Prosiding Seminar Nasional Masyarakat Biodiversitas Indonesia*, 8(2), 136–141. <https://doi.org/10.13057/psnmbi/m080205>
- Handoyo, D., & Rudiretna, A. (2001). Prinsip umum dan pelaksanaan *Polymerase Chain Reaction (PCR)*. *Unitas*, 9(1), 17–29.
- Harahap, A. S. (2017). Uji kualitas dan kuantitas DNA beberapa populasi pohon kapur Sumatera. *Journal of Animal Science and Agronomy Panca Budi*, 2(02), 1–6.
- Harahap, E. J., Rosmayanti, R., & Hanafiah, D. S. (2020). Uji polimorpik dan heterozigositas pada progeni F4 kedelai (*Glycine max* (L.) Merril) tahan salin dengan menggunakan marka SSR (*Simple Sequence Repeats*). *Jurnal Agrotek Lestari*, 5(2), 78–86. <https://doi.org/10.35308/jal.v5i2.2229>
- Harahap, P., Rosmayati, Harahap, E. M., Harahap, D. E., & Harahap, F. S. (2018). Eksplorasi dan identifikasi tanaman aren (*Arenga pinnata* Merr.) di Kabupaten Tapanuli Selatan. *Jurnal Pertanian Tropik*, 5(3), 423–427.
- Hutchings, M. J., & Kroon, H. De. (1994). Foraging in plants: The role of morphological plasticity in resource acquisition. *Advances in Ecological Research*, 25, 159–238. [https://doi.org/10.1016/S0065-2504\(08\)60215-9](https://doi.org/10.1016/S0065-2504(08)60215-9)
- Juadinta, S. (2025). *Inventarisasi kearifan lokal dan karakterisasi penanda morfologi pohon aren (Arenga pinnata (Wurmb.) Merr) berpotensi unggul di Kecamatan Akabiluru, 50 Kota*. Universitas Andalas.

- Karuri, H. W., Ateka, E. M., Amata, R., Nyende, A. B., Muigai, A. W. T., Mwasame, E., & Gichuki, S. T. (2010). Evaluating diversity among kenyan sweet potato genotypes using morphological and SSR markers. *International Journal of Agriculture and Biology*, 12(1), 33–38.
- Kristamtini, K., Taryono, T., Basunanda, P., & Murti, R. H. (2016). Keragaman genetik kultivar padi beras hitam lokal berdasarkan penanda mikrosatelit. *Jurnal AgroBiogen*, 10(2), 69. <https://doi.org/10.21082/jbio.v10n2.2014.p69-76>
- Laksananny, S. A., & Pujirahayu, N. (2017). Analisis kelayakan usahatani tanaman aren (*Arenga pinnata* Merr) genjah pada sistem agroforestri di kawasan Tahura Nipa-nipa Kendari. *Ecogreen*, 3(1), 33–39.
- Ma, Y. J., Dissen, G. A., Rage, F., & Ojeda, S. R. (1996). RNase protection assay. *Methods*, 10(3), 273–278. <https://doi.org/10.1006/meth.1996.0102>
- Mahadi, I., Zulfarina, & Anggraini, M. (2021). Penggunaan buffer alternatif untuk isolasi DNA genomik pada tanaman hutan. *Jurnal Penelitian Kehutanan Wallacea*, 10(2), 117–130. <https://doi.org/10.18330/jwallacea.2021.vol10iss2pp117-130>
- Margolang, I. G. (2023). *Eksplorasi dan identifikasi tanaman aren (Arenga pinnata) di Kabupaten Deli Serdang*. Universitas Medan Area.
- Ningsih, D. U. (2021). Optimasi suhu annealing proses amplifikasi gen Luciferase pengkode bioluminesensi pada jamur *Neonothopanus sp.* dengan metode *Polymerase Chain Reaction*. *Prosiding SEMNAS BIO 2021*, 1693–1700.
- Nirawati. (2021). *Pendekatan genetik untuk mengidentifikasi karakter spesifik sukrosa aren (Arenga pinnata (Wurmb) Merr.)*. UNIVERSITAS HASANUDDIN.
- Nurdianawati, S., Wicaksana, N., & Anas, A. (2016). Analisis kesesuaian marka SSR (*Simple Sequence Repeats*) untuk identifikasi keragaman genetik pada kacang bambara asal Jawa Barat. *Agrikultura*, 27(2), 120–123. <https://doi.org/10.24198/agrikultura.v27i2.10528>
- Pamaya, D., Muchlissin, S. I., Maharani, E. T. W., Darmawati, S., & Ethica, S. N. (2018). Isolasi bakteri penghasil enzim protease *Bacillus amyloliquefaciens* IROD2 pada oncom merah pasca fermentasi 48 jam. *Seminar Nasional Edusaintek*, 40–46.
- Pasaribu, A., Putri, L. A. P., & Suryanto. (2017). Analisis awal keragaman molekular kelapa sawit (*Elaies guineensis* Jacq.) menggunakan lima primer SSR (*Simple Sequences Repeats*). *Jurnal Pertanian Tropik*, 4(1), 47–56.
- Pranoto, Charis, A., Alwi, A. Z., Arianti, L. A., & Hidayat, W. W. N. (2022). Identifikasi populasi pohon aren (*Arenga pinnata*) sebagai potensi utama produk kreatif Desa Wisata Branjang Ungaran. *Media Informasi Penelitian Kabupaten Semarang (SINOV)*, 4(1), 100–111.

- Pratama, M. D. (2025). *Inventarisasi kearifan lokal dan karakterisasi penanda morfologi aren (Arenga pinnata (Wurmb) Merr.) berpotensi unggul di Kecamatan Payakumbuh, Kabupaten Lima Puluh Kota*. Universitas Andalas.
- Prysizahniuk, L. M., Klyachenko, O. L., Dikhtiar, I. O., & Symonenko, N. V. (2018). Analysis of diversity and genetic interactions of potato varieties (*Solanum tuberosum* L.) based on morphological characteristics and SSR markers. *Plant Varieties Studying and Protection*, 14(3), 277–284. <https://doi.org/10.21498/2518-1017.14.3.2018.145292>
- Rinawati, D. Y., Reflinur, Dinarti, D., & Sudarsono. (2021). Genetic diversity of sugar palm (*Arenga pinnata*) derived from nine regions in Indonesia based on SSR markers. *Biodiversitas*, 22(9), 3749–3755. <https://doi.org/10.13057/biodiv/d220919>
- Royani, J. I., Sinaga, O. F. B., Aliyah, K. N., Hardianto, D., Agustina, T., Rofiq, M. N., Kristamtini, Handayani, T., Puspitasari, W., Sudarsono, Abdullah, L., & Asiyah, S. I. (2022). Screening of simple sequence repeats (SSR) primers from mutated *Indigofera zolligeriana* Miq plants. *IOP Conference Series: Earth and Environmental Science*, 1114(1), 1–9. <https://doi.org/10.1088/1755-1315/1114/1/012106>
- Santoso, T. J., Utami, D. W., & Septiningsih, E. M. (2006). Analisis sidik jari DNA plasma nutfah kedelai menggunakan marka SSR. *AgroBiogen*, 2(1), 1–7.
- Serrote, C. M. L., Reiniger, L. R. S., Silva, K. B., Rabaiolli, S. M. dos S., & Stefanel, C. M. (2020). Determining the polymorphism information content of a molecular marker. *Gene*, 726, 1–15. <https://doi.org/10.1016/j.gene.2019.144175>
- Siregar, U. J., & Olivia, R. D. (2012). Keragaman genetik populasi sengon (*Paraserianthes falcataria* (L) Nielsen) pada hutan rakyat di Jawa berdasarkan penanda RAPD. *Journal of Tropical Silviculture*, 3(2), 1–7.
- Sulistyawati, P., & Widyatmoko, A. (2017). Keragaman genetik populasi kayu merah (*Pterocarpus indicus* Willd) menggunakan penanda *Random Amplified Polymorphism DNA*. *Jurnal Pemuliaan Tanaman Hutan*, 11(1), 67–76. <https://doi.org/10.20886/jpth.2017.11.1.67-76>
- Sunaryo, W. (2015). Review : Aplikasi DNA barcoding untuk analisis keragaman genetik lai-durian (*Durio zibethinus x kutejensis*) asal Kalimantan Timur. *Pros Sem Nas Masy Biodiv Indon*, 1(6), 1273–1277. <https://doi.org/10.13057/psnmbi/m010602>
- Supratman, A. R., & Purwantoro, A. (2021). Karakterisasi Tanaman Keladi Hias (*Caladium spp.*) berdasarkan Penanda Molekuler RAPD. *Vegetalika*, 10(4), 287. <https://doi.org/10.22146/veg.37168>
- Swari, M. H. P., & Firdaus, J. (2020). Implementasi case based reasoning pada sistem identifikasi kerusakan komputer dengan metode similaritas simple matching coefficient. *Prosiding Seminar Nasional Informatika Bela Negara*, 1, 25–30. <https://doi.org/10.33005/santika.v1i0.3>

- Tenda, E. T., Maskromo, I., & Heliyanto, B. (2010). Eksplorasi plasma nutfah aren (*Arenga pinnata* Merr) di Kutai Timur, Provinsi Kalimantan Timur. *Buletin Palma*, 38, 88–94.
- Terryana, R. ., Nugroho, K., & Lestari, P. (2020). Genetic diversity of sugar palm populations from Cianjur and Banten revealed by Simple Sequence Repeat (SSR) markers. *IOP Conf. Series: Earth and Environmental Science*, 418. <https://doi.org/10.1088/1755-1315/418/1/012038>
- Vieira, E. A., de Carvalho, F. I. F., Bertan, I., Kopp, M. M., Zimmer, P. D., Benin, G., da Silva, J. A. G., Hartwig, I., Malone, G., & de Oliveira, A. C. (2007). Association between genetic distances in wheat (*Triticum aestivum* L.) as estimated by AFLP and morphological markers. *Genetics and Molecular Biology*, 30(2), 392–399. <https://doi.org/10.1590/S1415-47572007000300016>
- Vika, T. O., Purwantoro, A., & WUlandari, R. A. (2015). Keragaman molekuler pada tanaman lili hujan (*Zephyranthes spp.*). *Vegetalika*, 4(1), 70–77. <https://doi.org/10.3969/j.issn.1008-0813.2015.03.002>
- Wasdili, F. A. Q., Putri, A. S., & Romlah, S. (2022). Optimasi isolasi DNA genom *Candida albicans* dengan metode Litium Karbonat. *Anakes : Jurnal Ilmiah Analis Kesehatan*, 8(2), 160–168. <https://doi.org/10.37012/anakes.v8i2.1156>
- Widyawati, N. (2012). *Sukses Investasi Masa Depan Dengan Bertanam Pohon Aren*. Lily Publisher.
- Winarto, S. (2017). Pemanfaatan serat ijuk sebagai material campuran menahan beban tekan studi kasus: Pembangunan homestay Singonegaran Kediri. *UkaRsT*, 1(1), 1–10.
- Yuliasti, & Reflinur. (2015). Evaluation of mungbean mutant lines to drought stress and their genetic relationships using SSR markers. *Atom Indonesia*, 41(3), 161–167.
- Yunus, Hamsina, & Tang, M. (2020). Produksi bioetanol dari nira aren. *Saintis*, 1(1), 33–39.
- Zalapa, J. E., Cuevas, H., Zhu, H., Steffan, S., Senalik, D., Zeldin, E., McCown, B., Harbut, R., & Simon, P. (2012). Using next-generation sequencing approaches to isolate Simple Sequence Repeat (SSR) loci in the plant sciences. *American Journal of Botany*, 99(2), 193–208. <https://doi.org/10.3732/ajb.1100394>
- Zebua, E. V. (2024). *Inventarisasi kearifan lokal dan karakterisasi penanda morfologi pohon aren (Arenga pinnata) berpotensi unggul di Kecamatan Talamau, Kabupaten Pasaman Barat*. Universitas Andalas.
- Zulfahmi. (2013). Penanda DNA untuk analisis genetik tanaman. *Jurnal Agroteknologi*, 3(2), 41–52.
- Zulfiana, A. S. (2021). *Validasi marka SSR hasil desain genom inti dan keragaman genetik Arenga pinnata Merr. pada provenansi Maros dan Sanjai*. Universitas Hasanuddin.