

BAB V

KESIMPULAN DAN SARAN

5.1 Kesimpulan

1. Dari 31 kode PDB, hanya terdapat 13 kode PDB yang valid atau memiliki nilai RMSD yang besarnya kurang dari 2 Å.
2. Senyawa Rubraxanthone memiliki hasil skor docking yang lebih baik daripada native ligand dengan reseptor kolesterol pada kode PDB 3LEE dengan skor docking sebesar -85.2268.
3. Dari hasil visualisasi dua dimensi dapat diprediksi secara *in silico* bahwa senyawa Rubraxanthone bekerja sebagai antikolesterol dengan cara berikatan baik dengan sisi aktif protein squalene synthase yaitu asam amino Phe, Tyr, dan Gln, terutama asam amino Phe54 yang merupakan situs inhibisi protein squalene synthase dengan kode PDB 3LEE yang berperan dalam pembentukan squalene yang hasil akhirnya berupa kolesterol.

5.2 Saran

Disarankan untuk penelitian selanjutnya untuk melakukan pengamatan molekular dinamik senyawa Rubraxanthone pada reseptor squalene synthase dengan kode PDB 3LEE dan studi laboratorium terhadap efektivitas Rubraxanthone sebagai inhibitor squalene synthase.