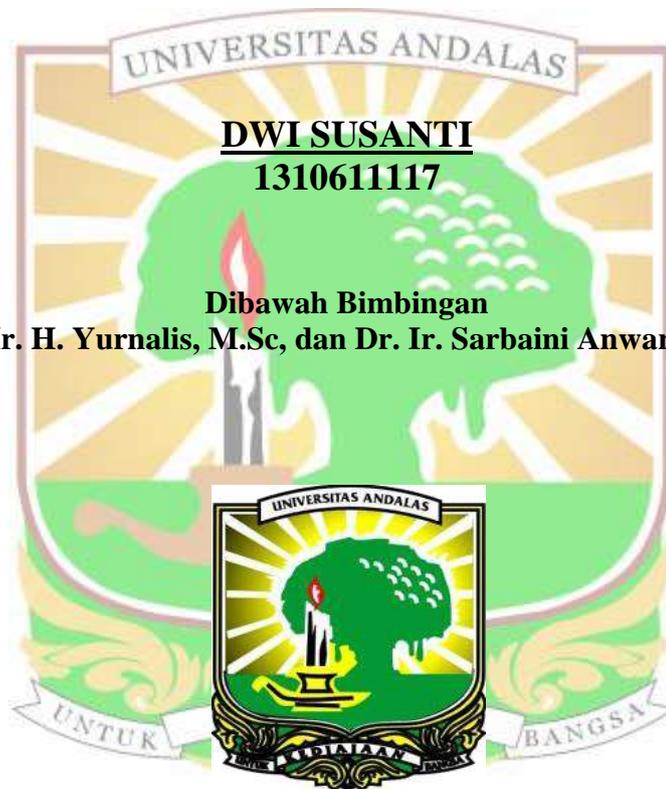


**KERAGAMAN GEN HORMON PERTUMBUHAN (GH|*MspI*)  
PADA SAPI PESISIR DAN SAPI SIMMENTAL  
MENGUNAKAN METODE PCR-RFLP**

**SKRIPSI**

**Oleh :**



**DWI SUSANTI**

**1310611117**

**Dibawah Bimbingan**

**Dr. Ir. H. Yurnalis, M.Sc, dan Dr. Ir. Sarbaini Anwar, M.Sc**

**FAKULTAS PETERNAKAN  
UNIVERSITAS ANDALAS  
PADANG  
2017**

**KERAGAMAN GEN HORMON PERTUMBUHAN (GH|*MspI*)  
PADA SAPI PESISIR DAN SAPI SIMMENTAL  
MENGUNAKAN METODE PCR-RFLP**

**SKRIPSI**

**Oleh :**



**DWI SUSANTI**  
**131061117**

**Sebagai Salah Satu Syarat Untuk Memperoleh Gelar Sarjana  
Pada Fakultas Peternakan Universitas Andalas**

**FAKULTAS PETERNAKAN  
UNIVERSITAS ANDALAS  
PADANG  
2017**

KERAGAMAN GEN HORMON PERTUMBUHAN (GH|*MspI*) PADA SAPI  
PESISIR DAN SAPI SIMMENTAL MENGGUNAKAN METODE PCR-  
RFLP

**DWI SUSANTI**

Bagian Teknologi Produksi Ternak Fakultas Peternakan  
Universitas Andalas Padang, 2017

ABSTRAK

Penelitian ini bertujuan untuk mengetahui keragaman gen GH- *MspI* pada sapi Pesisir dan sapi Simmental dengan menggunakan metode PCR-RFLP (*polymerase chain reaction-restriction fragment length polymorphism*). Pada penelitian ini digunakan sebanyak 135 sampel darah terdiri dari 75 sampel sapi Pesisir berumur 1,5 – 2,5 tahun yang dipelihara di Nagari Kambang, Kecamatan Lengayang, Kabupaten Pesisir Selatan, dan 60 sampel sapi Simmental yang berumur 1,5 – 2,5 tahun yang dipelihara di Balai Pembibitan Ternak Unggulan Hijauan Pakan Ternak (BPTU HPT) Padang Mengatas Kabupaten Lima Puluh Kota. Sampel darah sapi Pesisir dan sapi Simmental diambil melalui *vena jugularis* sebanyak 5 ml. DNA dari sampel darah diisolasi menggunakan *protocol Genomik DNA Purification Kit* (Promega). DNA total kemudian diamplifikasi menggunakan sepasang primer F : 5'- ATG TCC TTG TCC GGC CTG-3' dan R : 5'- CTG GAT GAG GAG CAG TGA GAT -3' yang menghasilkan fragmen *exon 3* gen GH sepanjang 694 bp. Produk amplifikasi direstriksi dengan enzim *MspI* yang mengenali situs pemotongan C|CGG. Dari 135 sampel sapi Pesisir dan sapi Simmental hasil restriksi diperoleh satu bentuk genotip yaitu homozigot (+/+) dengan frekuensi 1,0 sedangkan frekuensi alel (+) 1,0 dan frekuensi alel (-) 0. Dari hasil penelitian ini dapat dikemukakan bahwa frekuensi genotip dari gen yang diteliti pada populasi sapi Pesisir dan Simmental ini berada dalam ketidakseimbangan Hardy-Weinberg.

**Kata kunci** : *MspI*, gen GH, sapi Pesisir, sapi Simmental.

