

BAB V KESIMPULAN

A. Kesimpulan

Hasil penelitian analisis gen N pada varian virus SARS CoV- 2 dapat disimpulkan:

1. Varian SARS CoV-2 yang ditemukan dalam penelitian dikelompokkan menjadi 3 yaitu nonVOI-VOC varian terdiri dari 178 sampel, varian Delta 52 sampel, varian Omicron 38 sampel 12 sampel yang tidak mutasi (*wild type*).
2. Perubahan gen N pada sampel penelitian ditemukan pada 89 titik mutasi dengan 80 substitusi dan 9 delesi. Mutasi terbanyak ditemukan pada posisi C28887T yang merupakan mutasi yang ditemukan pada 100% pada varian B.1.466.2.
3. Dari 80 mutasi substitusi ditemukan 30 mutasi transversi dan 50 mutasi transisi.
4. Ditemukan ada pola mutasi unik yang berbeda dari setiap varian yang ditemukan.

B. Saran

1. Perlu dilakukan analisis lebih lanjut secara menyeluruh dari *whole genome* SARS CoV-2 untuk mengetahui perubahan dan efek yang ditimbulkan dari perubahan perubahan nukleotida pada gen N dengan jumlah sampel lebih banyak.
2. Pada penelitian ini peneliti tidak melakukan studi Biokimia dan struktural yang terperinci pada protein N, maka perlu dilakukan penelitian lebih lanjut untuk membantu mengkarakterisasi mutasi gen