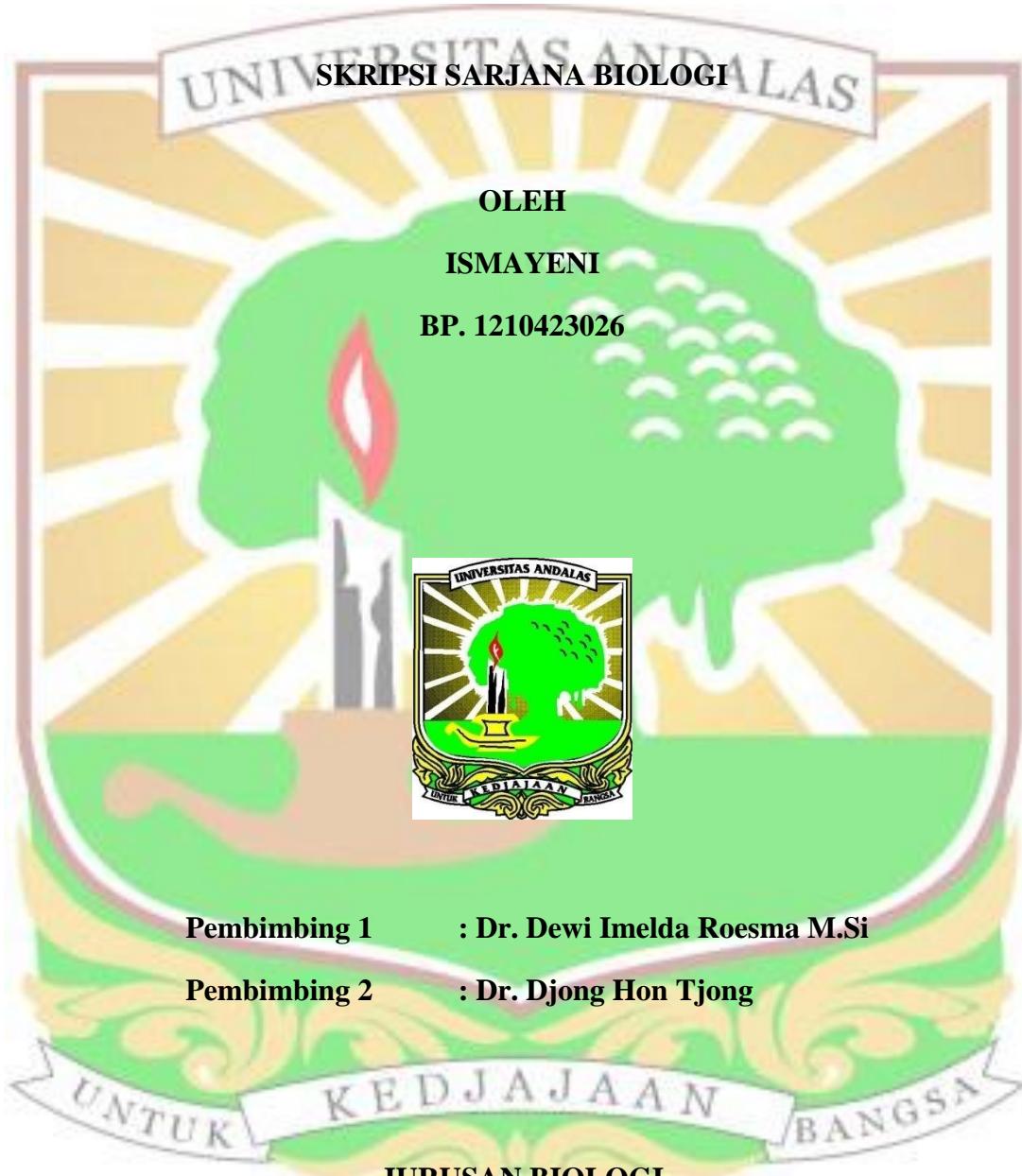


**STUDI VARIASI GENETIK IKAN HAMPALA DARI DANAU SINGKARAK
DAN MANINJAU DENGAN MENGGUNAKAN TEKNIK RAPD (*Random
Amplified Polymorphic DNA*)**



Pembimbing 1 : Dr. Dewi Imelda Roesma M.Si

Pembimbing 2 : Dr. Djong Hon Tjong

FAKULTAS MATEMATIKA DAN ILMU PENGETAHUAN ALAM

UNIVERSITAS ANDALAS

PADANG, 2016

ABSTRAK

Telah dilakukannya penelitian untuk mengetahui variasi genetik ikan *Hampala* di Danau Singkarak dan Maninjau Sumatera Barat dengan menggunakan teknik RAPD. Penelitian ini telah dilakukan pada bulan Maret hingga Juli 2016, di Laboratorium Genetika dan Biologi Sel, Jurusan Biologi, Universitas Andalas. Sampel dikoleksi dari Danau Singkarak dan Maninjau. Metode penelitian yang digunakan adalah metode survey dan koleksi langsung di lapangan, dan sampel DNA di analisis dengan teknik RAPD. Hasil penelitian ini menunjukkan bahwa nilai heterozigositas *H. macrolepidota* dan *Hampala* sp. di Danau Maninjau ialah $H= 0,19280$ dan $0,1645$, *H. macrolepidota* dan *Hampala* sp. di Danau Singkarak ialah $H= 1978$ dan $0,2083$. Sedangkan nilai *gene flow* tertinggi dari kedua populasi adalah $Nm=1,1298$ dengan nilai $Gst = 0.3187$. Hal ini menunjukkan bahwa variasi genetik intra dan antar populasi *H. macrolepidota* dan *Hampala* sp. ialah rendah dan keduanya masih tergolong spesies yang sama.

Kata kunci : *Hampala*, variasi genetik, RAPD.



ABSTRACT

The research to find genetic variations *Hampala* fish on take lakes of Singkarak and Maninjau West Sumatera using RAPD technique has done. This study was conducted at March until July 2016, in the laboratory of Genetics and Cell Biology. Department of Biology. University of Andalas. The method used for the collection of individual samples from Lake Singkarak and Maninjau is survey and direct collection in the field. DNA samples analyzed by RAPD technique. The result of this study indicate that the value heterozygosity of *H. macrolepidota* and *Hampala* sp. in Maninjau Lake is $H = 0,19280$ dan $0,1645$. *H. macrolepidota* and *Hampala* sp. in Singkarak Lake is $H = 1978$ dan $0,2083$. Whele the value of highest from the two populations is $Nm = 1,1298$ with a value $Gst = 0,3187$. This suggest that the genetic variations intra and inter population of *H. macrolepidota* and *Hampala* sp. is low and both are still considered the same species..

Keyword : *Hampala*. genetic variations. RAPD.

