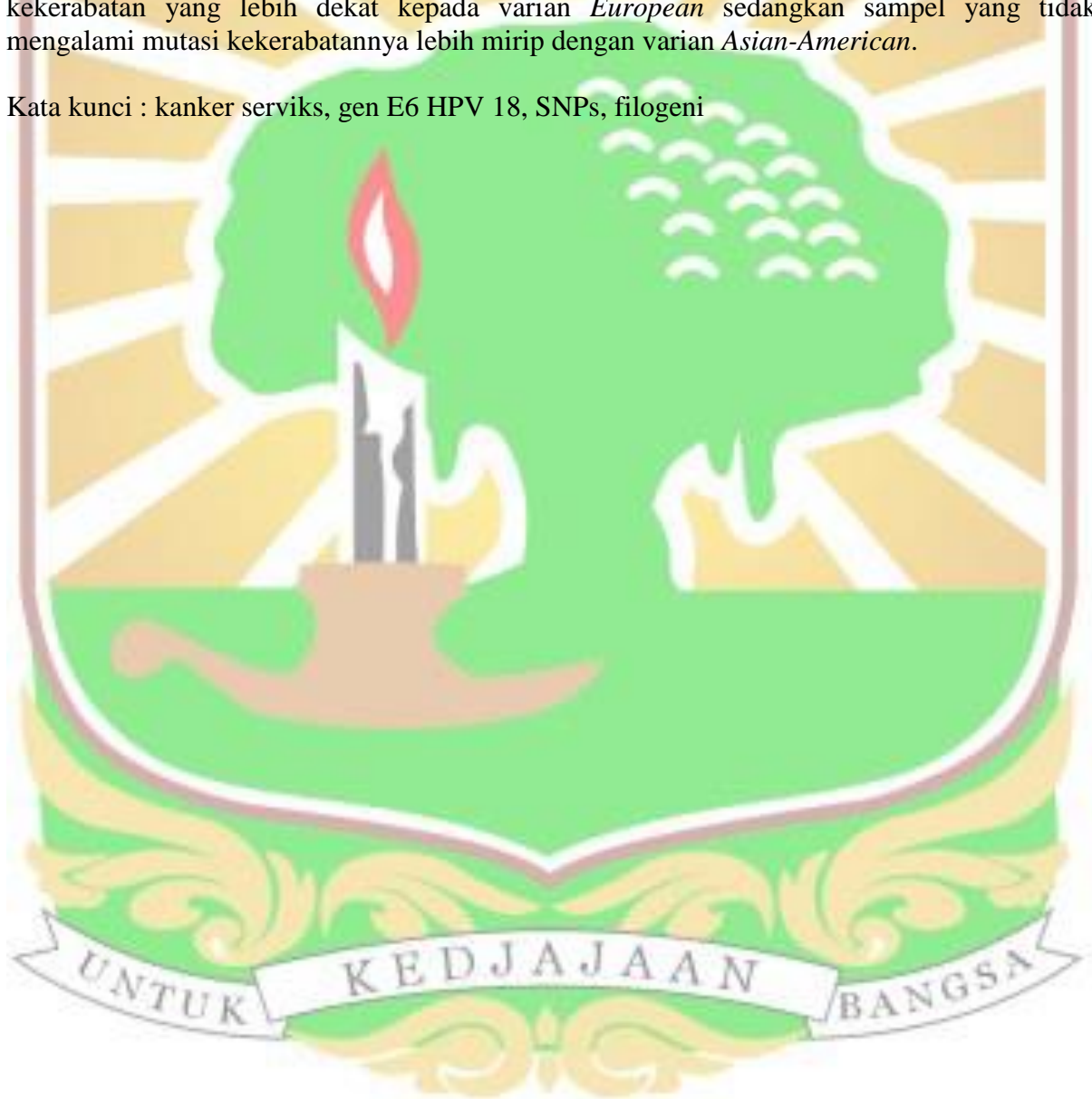


ABSTRAK

Telah dilakukan identifikasi polimorfisme dengan menggunakan sekuens referensi NC001357 terhadap 10 isolat sampel yang berasal dari penderita kanker serviks. Sampel diperoleh dari Pusat Penelitian HPV Fakultas Kedokteran Universitas Andalas yang berasal dari berbagai daerah di Padang dan Pekanbaru. Pengamatan pada isolat sampel membuktikan telah terjadinya *Single Nucleotida Polymorfisme* (SNPs) terhadap 4 dari 10 isolat sampel (40%) sedangkan 60% sampel lainnya tidak mengalami mutasi. Variasi molekular teramati pada posisi nukleotida 197 dan 261 dan bersifat *misense mutation* karena merubah asam amino dari fenil alanin menjadi serin (F66S) dan asam aspartat menjadi alanin (N87K). Hasil analisa pohon filogeni memperlihatkan bahwa 4 isolat sampel yang mengalami mutasi menunjukkan kekerabatan yang lebih dekat kepada varian *European* sedangkan sampel yang tidak mengalami mutasi kekerabatannya lebih mirip dengan varian *Asian-American*.

Kata kunci : kanker serviks, gen E6 HPV 18, SNPs, filogeni



ABSTRACT

Polymorphism identification has been performed using the reference sequence NC001357 against 10 isolates of sample derived from cervical cancer patients. Samples were

obtained from HPV Research Center, Faculty of Medicine Andalas University and coming from various areas in Padang and Pekanbaru. Observations on the sample isolates proved happened Single Nucleotides Polymorphisms (SNPs) on 4 to 10 samples (40%) while 60% samples did not have mutations. Molecular variations was observed at nucleotide position 197 and 261 and tends misense mutations because changed amino acid from phenyl alanine into serine (F66S) and aspartic acid into alanine (N87K). Analysis of the phylogeny tree showed that 4 isolates samples had mutations showed a closer genetic relationship to the European variant while the samples without mutation represented genetic relationship Asian-American variants.

Key word : Cervical cancer, E6 gene HPV 18, SNPs, phylogeny.

