

**EVALUASI STATUS TAKSONOMI KATAK-PARASUT HIJAU  
*Rhacophorus reinwardtii* GROUP DI SUMATERA**

**TESIS**

**MUHAMMAD ICHSAN FAJRI**

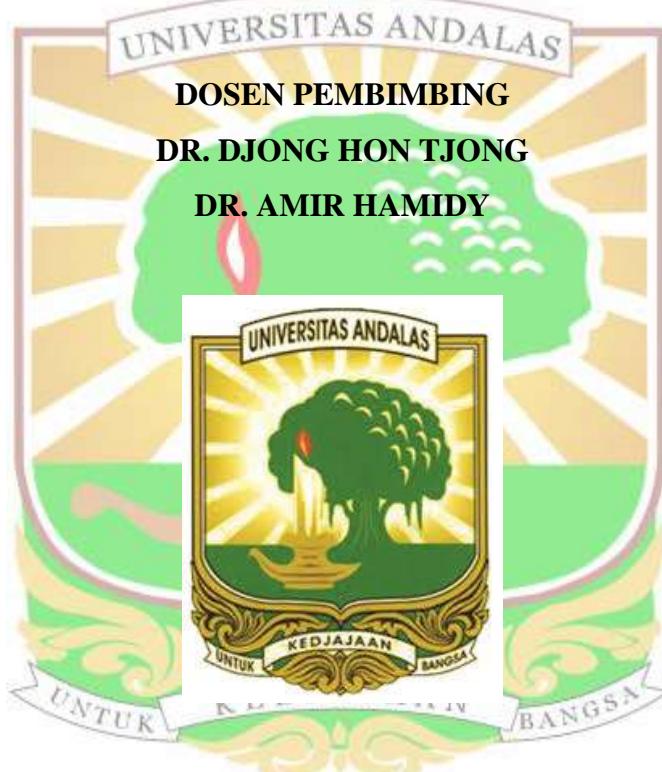
**1820422004**

**UNIVERSITAS ANDALAS**

**DOSEN PEMBIMBING**

**DR. DJONG HON TJONG**

**DR. AMIR HAMIDY**



**PROGRAM STUDI MAGISTER**

**JURUSAN BIOLOGI**

**FAKULTAS MATEMATIKA DAN ILMU PENGETAHUAN ALAM**

**UNIVERSITAS ANDALAS**

**PADANG**

**2022**

## ABSTRAK

Penelitian ini mengevaluasi status taksonomi Katak-parasut Hijau di Sumatera dengan menggunakan analisis molekular gen 16S rRNA dan analisis morfologi. Analisis filogenetika dilakukan dengan menggunakan *Maximum Likelihood* dan *Bayesian*. Analisis morfometri dilakukan dengan menggunakan tes *Kruskal-Wallis* dan tes *Mann-Whitney*. Hasil analisis filogenetik menunjukkan *Rhacophorus* sp. 1 berkerabat dekat dengan *R. norhayatii* Semenanjung Malaysia, *Rhacophorus* sp. 2 berkerabat dekat dengan *R. reinwardtii* Jawa, dan *Rhacophorus* sp. 3 berkerabat dekat dengan *R. nigropalmatus* Borneo. Pohon filogenetik juga membuktikan *R. nigropalmatus* tidak termasuk *R. reinwardtii group*. Analisis morfometri menunjukkan *Rhacophorus* sp. 1 tidak berbeda dengan *R. norhayatii* Semenanjung Malaysia, *Rhacophorus* sp. 2 tidak berbeda dengan *R. reinwardtii* Jawa dan *Rhacophorus* sp. 3 tidak berbeda dengan *R. nigropalmatus* Borneo. Penelitian ini membuktikan bahwa jenis Katak-parasut hijau yang terdapat di Sumatera adalah *R. reinwardtii* dan *R. norhayatii* dan keduanya dapat ditemukan bersama *R. nigropalmatus*.

**Kata Kunci:** Konspesifik, Sumatera, Sunda Besar, *Rhacophorus reinwardtii*, Sundaland



## ABSTRACT

We report newly collected specimens of Large tree frog genus *Rhacophorus* from Sumatra Island, and perform a molecular analysis using the 16S rRNA gene and morphometric analyses. We used Maximum Likelihood Analysis and Bayesian Analysis to perform phylogenetic analysis. We used Mann-Whitney test and Kruskal-Wallis test to perform morphometric analysis. The results show that *Rhacophorus* sp. 1 is closely related to the Peninsular Malaysia of *R. norhayatii*, *Rhacophorus* sp. 2 is deeply nested in the monophyletic *R. reinwardtii*, and *Rhacophorus* sp. 3 is closely related to the Borneo population of *R. nigropalmatus*. The results of the phylogenetic analyses also confirm that *R. nigropalmatus* is not included into the *R. reinwardtii group*. Morphometric result show that *Rhacophorus* sp. 1 is proportional with Peninsular Malaysia *R. norhayatii*, *Rhacophorus* sp. 2 is proportional with *R. reinwardtii*, and *Rhacophorus* sp. 3 is proportional with *R. nigropalmatus*. We confirm that both *R. norhayatiae* and *R. reinwardtii* have been found in Sumatra Island, along with *R. nigropalmatus*.

**Keyword:** Conspecific, Sumatra, Great Sunda, *Rhacophorus reinwardtii*, Sundaland

